

Шановні студенти, прочитайте будь ласка інструкцію

по відправленню ваших практичних робіт через дистанційний курс:

Звіт може бути надрукованим або написаним від руки. У першому випадку - це текстовий файл (можна з картинками) – це звичайний варіант відповіді, можна також відправити відсканований (сфотографований) результат роботи у вашому зошиті – але щоб цей файл не був дуже великим

Щодо текстових файлів я буду дивитися, щоб файли не були абсолютно ідентичними!

Кроки для відправки файлів:

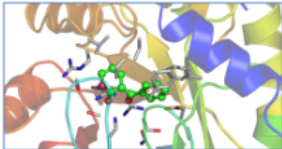
- 1) Ви заходите на курс, вибираєте ПРАКТИЧНЕ ЗАНЯТТЯ ... (зараз - це №5)

ТЕМА 2. Множинне вирівнювання: методологія і застосування


- o 2-1. Принципи множинного вирівнювання послідовностей (MSA).
- o 2-2. Застосування MSA у молекулярній філогенетиці
- o 2-3. Застосування MSA у анотації геному: особливості для про- і еукаріот
- o 2-4. Застосування MSA в аналізі функціональних ділянок у протеїнах

Практичне завдання до теми 2: Множинне вирівнювання.

Питання до тесту з Розділу 1

 **РОЗДІЛ 2. Основи структурної біоінформатики.**

ТЕМА 3. Візуалізація і моделювання структури протеїнів. Protein Data Bank.

ПРАКТИЧНЕ ЗАНЯТТЯ 5. Структура білків у БД: UniProt, PDB. 

Тестове питання до лекції №5

ТЕМА 4. Хемоінформатика у біології. Молекулярний докінг.

Практичне завдання до теми 4: Пошук за хімічною формулою. PubChem. Chebi.

Контрольні питання до Розділу 2

Біоінформатика > Розділ 2 > ПРАКТИЧНЕ ЗАНЯТТЯ 5. Структура білків у БД: UniProt, PDB.

ПРАКТИЧНЕ ЗАНЯТТЯ 5. Структура білків у БД: UniProt, PDB.

План

Завдання 1- аналіз білкових структур через UniProt

Завдання 2- аналіз анотацій структур білків в базі PDB

Завдання 3- Робота у Європейському варіанті бази PDB

Додатково - Завдання 4-знайомство з базою SCOPe

Методичні вказівки до виконання:

! Увага! Запишіть у лаб.журнал (скопійуйте у звіт для дистанц. курсу)
тему заняття,
назву завдань

- 2) Виконуєте завдання, в кінці після тексту завдання бачите кнопку «Відправити відповідь», клікніть на неї

У результатах пошуку будуть білки або сімейства, в яких знайдений цей домен

Перейдіть на посилання MAP kinase Erk2

Опишіть результати

4-1? яка класифікація SCOP використовується - версія БД (Root: SCOPe___)

4-2? до якого класу належить цей домен (Class___)

4-3? скільки сімейств (families) належать до Superfamily Protein kinase-like (___ families)

4-4? скільки структур відомо для людини (___ PDB entries)

4-5? шифр бази PDB, який містить інформацію про перший домен з переліку (Domain for _____)

Состояние ответа


Номер попытки	Попытка 1.
Состояние ответа	Ни одной попытки
Состояние оценивания	Не оценен
Последнее изменение	-
Разрешить комментарии	► Комментарии (0)

Отправить ответ

Внесение изменений в представленную работу

- 3) Знову з'явиться завдання (! Не дивуйтеся), **потрібно! прокрутити до кінця**, там побачите 2 вікна: ви вставляєте текст або прикріплюєте файл - як зручно

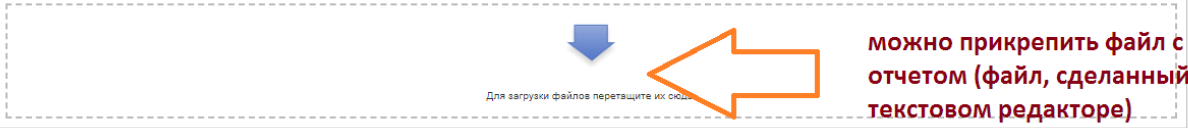
Ответ в виде текста



Путь: p

Прикрепленный файл

Максимальный размер новых файлов: 500Кбайт, максимальное количество прикрепленных файлов: 1



Для загрузки файлов перетащите их сюда

можно впечатать (скопировать) ваш текст отчета в это поле

можно прикрепить файл с отчетом (файл, сделанный в текстовом редакторе)

Сохранить Отмена

!!! Клікнути «Зберегти»/сохранить

Потім зможете побачити оцінку за роботу - я поки чекаю, коли більша частина вашого потоку надішле звіти (порівняю), потім буду оцінювати, максимум 2 бали як зазвичай, якщо щось не так, буду вам писати коментарі / повідомлення.